**ΠΑΡΑΡΤΗΜΑ ΙΙΙ – Υπόδειγμα Τεχνικής Προσφοράς**

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **ΤΜΗΜΑ** | **ΕΙΔΟΣ** | **TEXNIKEΣ ΠΡΟΔΙΑΓΡΑΦΕΣ** | **ΣΥΜΜΟΡΦΩΣΗ** | **ΠΡΟΣΦΕΡΟΜΕΝΟ ΕΙΔΟΣ** | **ΠΑΡΑΠΟΜΠΗ ΣΕ ΕΓΓΡΑΦΑ ΤΟΥ ΚΑΤΑΣΚΕΥΑΣΤΙΚΟΥ ΟΙΚΟΥ** |
| 1 | Oncomine™ TCR Beta-SR Assay | Κιτ για την μελέτη κλωνικότητας (clonal expansion) Τ-λεμφοκυττάρων με τεχνολογία NGS σε πλατφόρμα Ion Torrent. Να παρέχει τα αντιδραστήρια για την κατασκευή της βιβλιοθήκης και μια ενιαία δεξαμενή πολλαπλών εκκινητών PCR για την παρασκευή βιβλιοθηκών τεχνολογίας Ampliseq από δείγματα ιστών FFPE, φρέσκων ιστών και από αίμα. Η δοκιμασία να επιτρέπει την αναλυση της CDR3 περιοχής του TCR γονιδίου με τη χρήση μεγάλου εύρους ποσού DNA (100 ng-1 μg). Να περιέχει αντιδραστήρια για ανάλυση 24 δειγμάτων |  |  |  |
| 2 | Oncomine™ Pan-Cancer Cell-Free Assay | Κιτ για την μελέτη πολλαπλών στόχων σε DNA και RNA απομονωμένο από πλάσμα  (υγρή βιοψία) με τεχνολογία NGS σε πλατφόρμα Ion Torrent. Να παρέχει τα αντιδραστήρια για την κατασκευή της βιβλιοθήκης και μια ενιαία δεξαμενή πολλαπλών εκκινητών PCR για την παρασκευή βιβλιοθηκών τεχνολογίας Ampliseq από cfDNA. Η δοκιμασία να επιτρέπει την αναλυση σημειακών μεταλλάξεων και ελείψεων και προσθηκών, fusions και CNV's σε τουλάχιστον 50 γονίδια που εμμφανίζονται σε διάφορους τύπους καρκίνου. Να καλύπτονται τα γονίδια: AKT1, ALK, AR, ARAF, BRAF, CHEK2, CTNNB1, DDR2,EGFR, ERBB2, ERBB3, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, GNA11, GNAQ, GNAS, HRAS, IDH1, IDH2, KIT, KRAS, MAP2K1, MAP2K2, MET, MTOR, NRAS, NTRK1, NTRK3, PDGFRA, PIK3CA, RAF1, RET, ROS1, SF3B1, SMAD4, SMO (Hotspot genes (SNVs) and short indels) ALK, BRAF, ERG, ETV1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, NTRK1, NTRK3, RET, ROS1 (Gene fusions) MET (exon 14 skipping) CCND1, CCND2, CCND3, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, MET, MYC (CNVs) APC, FBXW7, PTEN, TP53 (Tumor suppressor genes) Να μπορεί να επιτευχθεί ένα όριο ανίχνευσης (LOD) 0,1% allele frequence για τα SNVs. Συσκευασία 8 εξετάσεων. |  |  |  |
| 3 | Ion Torrent™ Dual Barcode Kit 1-96 | Κιτ 96 μοναδικά σημασμένων ολιγονουκλεοτιδίων (Barcodes), με διπλή αναγνώριση, κατάλληλων για τη δημιουργία βιβλιοθηκών DNA. Να επιτρέπουν την ταυτόχρονη ανάμιξη βιβλιοθηκών DNA από μέχρι 96 διαφορετικά δείγματα πριν από την κλωνική ενίσχυση των βιβλιοθηκών σε σφαιρίδια με PCR σε γαλάκτωμα για διεξαγωγή της ταυτόχρονης πολλαπλής αλληλούχισης των βιβλιοθηκών με τεχνολογία ημιαγωγών. Να επιτρέπουν την ίση εκπροσώπηση amplicons στο μίγμα βιβλιοθηκών ώστε να αναγνωρίζονται και οι σπάνιοι. Συσκευασία πλάκας 96 θέσεων. |  |  |  |
| 4 | Ion Library TaqMan™ Quantitation Kit | Κιτ για την ανίχνευση και τον ποσοτικό προσδιορισμό Femtomolar ποσοτήτων βιβλιοθηκών για χρήση σε sequencing με ημιαγωγούς. Να περιέχει μίγμα για real-time PCR μεTaqMan® probes και ένα πρότυπο βιβλιοθήκη, συσκευασίας 250 αντιδράσεων. |  |  |  |
| 5 | Ion 540™ Chip Kit | Συσκευές με μικροδιατάξεις ημιαγωγών (μικροσυστοιχίες) κατάλληλων για προσδιορισμό αλληλουχίας με χημεία Ion Torrent. Να επιτρέπουν την παραγωγή από 10 Gb έως 15Gb δεδομένων αλληλούχισης (60-80 εκατομύρια διαβάσματα), συσκευασίας 8 τεμαχίων. |  |  |  |
| 6 | Oncomine™ Immune Response Research Assay | • Ειδικό assay προσδιορισμoύ γονιδιακής έκφρασης (pan-cancer gene expression assay) σχεδιασμένο για χρηση με πλατφόρμα αλληλουχίας επόμενης γενιάς (NGS) τεχνολογίας ion.  • Να μπορει να χρησιμοποιηθει για να διερευνήσει το μικροπεριβάλλον του όγκου για να επιτρέψει μελέτες και προσδιορισμό προγνωστικών βιοδεικτών για ανοσοθεραπεία σε αναδρομικές ή προοπτικές κλινικές μελέτες.  • Η δοκιμασία να εχει βελτιστοποιηθει για τη μέτρηση της έκφρασης των γονιδίων που εμπλέκονται σε αλληλεπιδράσεις όγκου-ανοσοποιητικου, συμπεριλαμβανομένων των γονιδίων χαμηλής έκφρασης που εμπλέκονται στη φλεγμονώδη σηματοδότηση. • Να περιέχει τα αντιδραστήρια για κατασκευή βιβλιοθήκης και μία δεξαμενή εκκινητών που χρησιμοποιούνται για την εκτέλεση πολυπλεκτικής PCR για την παρασκευή βιβλιοθηκών αμπλικονίου από δείγματα στερεωμένα σε παραφίνη (FFPE).  • Να επιτρέπει ποσοτική αξιολόγηση της έκφρασης δεικτών που σχετίζονται με διαφορετικά υποομάδες λευκοκυττάρων, παρουσία αντιγόνου, οδούς σημείων ελέγχου και εξέλιξη όγκου.  • Να επιτρέπει ανίχνευση 400 γονιδίων.  • Να αξιοποιεί την τεχνολογία Ion AmpliSeq ™ για να παρέχει αποτελέσματα από μόλις 10 ng ολικού RNA, επιτρέποντας την μεγάλη απόδοση από δυσκολα δείγματα FFPE. Συσκευασία για 32 δείγματα. |  |  |  |